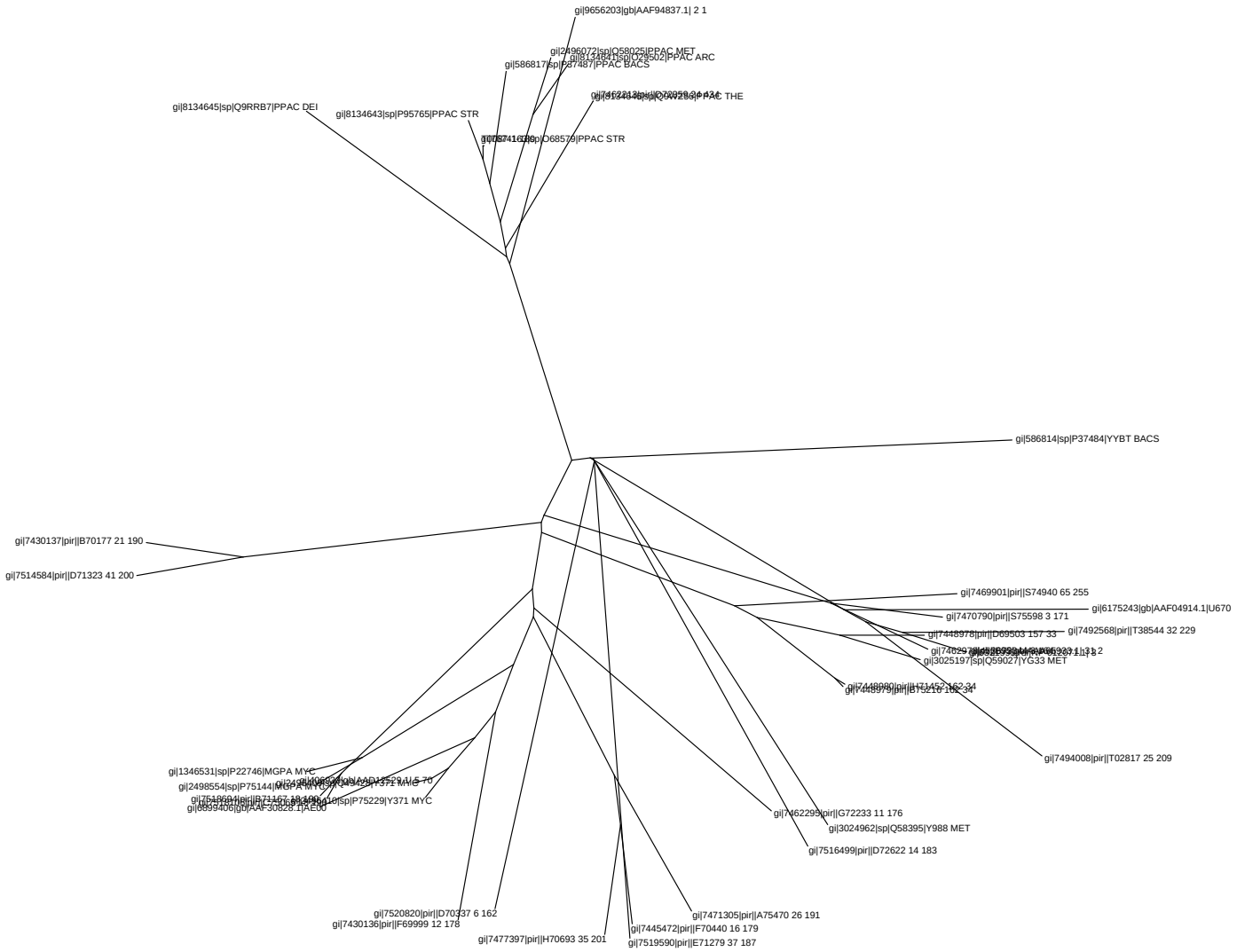
gi|9656203|gb|AAF94837.1| 2 1
gi|2496072|sp|O58025|PPAC MET
gi|5868177|sp|P37487|PPAC BACS
gi|8134645|sp|Q9RRB7|PPAC DEI
gi|8134643|sp|P95765|PPAC STR
gi|586814|sp|P37484|YYBT BACS
gi|7430137|pir||B70177 21 190
gi|7514584|pir||D71323 41 200
gi|7469901|pir||S74940 65 255
gi|6175243|gb|AAF04914.1|U670
gi|7470790|pir||S75598 3 171
gi|7492568|pir||T38544 32 229
gi|3025197|sp|Q59027|YG33 MET
gi|7494008|pir||T02817 25 209
gi|1346531|sp|P22746|MGPA MYC
gi|2498554|sp|P75144|MGPA MYC
gi|7462295|pir||G72233 11 176
gi|3024962|sp|Q58395|Y988 MET
gi|7516499|pir||D72622 14 183
gi|7520820|pir||D70337 6 162
gi|7430136|pir||F69999 12 178
gi|7477397|pir||H70693 35 201
gi|7445472|pir||F70440 16 179
gi|7519590|pir||E71279 37 187
gi|7471305|pir||A75470 26 191