GPN CEK04C1 4 9 148 2 150
SW MLE HALRO 5 144 6 149
SW MLEY HUMAN 63 208 6 151
GP HUMMYLCC 1 1 116 1 116
GP HUMMYLCB 1 1 116 1 116
PIR2 JX0215 5 150 5 150
SW MLES HUMAN 5 150 5 150
PIR1 MOHU6N 6 151 6 151
SW MLES RAT 5 150 5 150
GP S77858 1 6 151 6 151
SW MLEN MOUSE 1 141 2 141
PIR1 MOHU6E 17 157 6 146
PIR1 MOHU6M 6 151 6 151
SW MLEN HUMAN 5 150 5 150
PIR2 JX0214 5 150 5 150
GP HUMMYLCA 2 12 103 9 97
GP HUMMLC3NM 1 6 151 6 151
SW MLEN CHICK 5 150 5 150
GP CHKMYLCB 1 6 151 6 151
PIR1 MOCH6N 6 152 6 152
PIR1 MOCHG2 6 151 6 151
SW MLES CHICK 5 150 5 150
GP CHKMYLCA 1 6 151 6 151
GP GGMYLC3 1 1 141 1 142
PIR1 MOCHLC 47 193 6 153
SW MLEC CHICK 46 192 6 153
SW MLEV HUMAN 47 193 6 153
PIR1 MOHU3V 48 194 6 153
GP HSMYOL1 1 48 194 6 153
PIR1 MORT3V 53 199 6 153
SW MLEV RAT 52 198 6 153
GP HUMMYLA1 1 50 197 6 153
PIR1 MOHU4E 50 197 6 153
SW MLEF HUMAN 49 196 6 153
GP MUSMLCAF 1 1 137 2 137
PIR1 MOMS4E 46 193 6 153
SW MLEF MOUSE 45 192 6 153
PIR1 MORT4E 46 193 6 153
SW MLEF RAT 45 192 6 153
PIR1 MOCH4E 38 185 6 153
GP GDMYAL12 1 38 185 6 153
SW MLEX CHICK 38 185 6 153
SW MLEG HUMAN 3 94 6 94
GP HSMLC1A 1 16 180 9 172
PIR2 S25629 1 58 2 59
GP BTU45430 1 23 167 6 151
PIR2 A23253 43 188 6 151
SW MLE1 MOUSE 42 187 6 151
GP MUSMLC135 1 43 188 6 151
SW MLE1 RAT 43 188 6 151
PIR1 MORTA1 45 190 6 151
GP RATMLC138 1 46 191 6 151
PIR2 I57590 44 189 6 151
PIR2 B23253 5 150 5 150
SW MLE3 MOUSE 4 149 4 149
GP MUSMLC135 2 5 150 5 150
SW MLE3 RAT 4 149 4 149
GP RATMLC138 2 5 150 5 150
PIR2 I77418 5 150 5 150
GP SSMLC 1 5 149 5 150
PIR1 MORBL2 5 149 5 150
SW MLE3 RABIT 4 148 4 149
PIR1 MOHUA2 5 149 5 150
SW MLE3 HUMAN 4 148 4 149
SW MLE1 HUMAN 48 192 6 151
PIR1 MOHUA1 49 193 6 151
SW MLE1 RABIT 46 190 6 151
PIR1 MORBLA 47 191 6 151
GP XELMLC1A 1 45 190 6 151
GP XELMLC1F 1 5 150 5 150
GP CHKMYA2SM 1 5 150 5 150
PIR1 MOCHA2 4 149 4 149
PIR2 I50384 5 150 5 150
SW MLE3 CHICK 4 149 4 149
GP CHKMYA1SM 1 32 177 6 151
PIR1 MOCHLA 47 192 6 151
SW MLE1 CHICK 45 190 6 151
GP CHKMLC133 1 47 192 6 151
3D 2MYSC2 3 89 3 89
3D 1MYSC2 3 89 3 89
GP FR24G11 2 46 203 6 163
GP CYIFSMLC1B 1 48 193 6 151
GP CYIFSMLC1A 1 48 193 6 151
GP CYIFSMLC3C 1 7 151 6 150
SW MLE2 DROME 6 147 6 147
3D 1MYSC1 1 45 1 45
SW YGK6 YEAST 11 142 3 135
GP SCMEMLC 1 14 146 3 138
GPN CET12D8 3 5 137 2 142
GP TCU64727 1 6 148 6 148
SW MLE CAEEL 9 147 6 144
SW MLE BRAFL 6 147 6 149
SW MLE PATYE 5 151 5 151
3D 1WDCC 3 149 3 149
3D 1SCMC 2 148 2 148
PIR2 A25183 6 152 6 152
SW MLE AEQIR 5 151 5 151
GP PMU59290 1 6 152 6 152
SW MLE TODPA 5 152 5 152
PIR2 A25571 6 153 6 153
T0076 7 140
T0076 7 140
GP YSPCDC4G 1 9 140 5 138
T0076 8 139 5 138